

Zákazník: Monika Pelíšková, Rozstání 251, 79862 Rozstání, Czech Republic

Vyšetřovaný:

Vzorek: 21-13017

Datum přijetí vzorku: 11.05.2021

Vyšetřovaný materiál: krev

Údaje poskytnuté zákazníkem

Jméno: Grissly (Gloriandus Faberge)

Rasa: Dalmatin

Tetovací číslo: GLS124

Mikročip: 643 099 100 013 664

Datum narození: 18.09.2018

Pohlaví: samice

Datum odběru: 07.05.2021

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Ivana Stodůlková, KVL 5437

Výsledek: Na základě vyšetření genových variant byl stanoven genotyp E/E

Komentář k výsledku

Byla vyšetřena přítomnost genových variant c.916C>T genu MC1R (melanocortin 1 receptor). Jedná se o alelu označovanou jako lokus E (Extension). Původní, tzv. wild type alela se označuje E. Recesivní genová varianta c.916T (alela e) vede ke ztrátě funkce MC1R genu. Genotyp e/e se projevuje červeným nebo žlutým zbarvením srsti.

Fenotypický projev alely e je děděn autosomálně recesivně. Barevná vloha se projeví jen u jedinců (e/e), kteří získají genovou variantu c.916T od obou svých rodičů. Heterozygotní jedinci E/e jsou přenašeči alely e.

Metoda: SOP173-MC1R, PCR-RFLP

Datum vystavení zprávy: 24.06.2021

Datum provedení zkoušky: 14.06.2021 - 24.06.2021

Schválila: Ing. Irena Rusková, analytik



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je 5J2A-HAX1-AM6N-XN12-TAX8. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.